Appendix 1.

Table 1. Composition of kornerupine and prismatine acquired by LA-ICP-MS.

	kornerupine					
	sample 1			sample 2		
	34853 SP1	**34853 SP2**	**34853 SP3**	**20189 SP1**	**20189 SP2**	**20189 SP3**
	Wt. % oxide, converted from LA-ICP-MS					
B_2O_3	0.07	0.07	0.07	0.59	0.59	0.59
Na_2O	0.04	0.04	0.04	0.06	0.06	0.06
MgO	19.55	19.69	19.73	18.64	18.62	18.76
Al_2O_3	47.37	46.96	47.40	46.25	46.02	46.14
SiO_2	30.00	30.22	29.78	29.89	30.11	29.81
K_2O	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
CaO	0.14	0.15	0.14	0.11	0.11	0.10
TiO_2	0.12	0.12	0.12	0.19	0.19	0.19
V_2O_3	0.01	0.01	0.01	0.02	0.02	0.02
Cr_2O_3	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01
MnO	0.02	0.02	0.02	0.04	0.04	0.04
FeO	1.30	1.33	1.30	2.85	2.88	2.92
Others	0.15	0.15	0.15	0.14	0.14	0.14
H_2O (calculated)	1.22	1.22	1.22	1.21	1.21	1.21
total	100.00	100.00	100.00	100.00	100.00	100.00
	Number of ions on the basis of 21O + 1OH					
B	0.015	0.015	0.014	0.125	0.126	0.125
Na	0.011	0.011	0.010	0.015	0.015	0.015
Mg	3.582	3.609	3.619	3.434	3.428	3.458
Al	6.864	6.806	6.873	6.734	6.700	6.722
Si	3.689	3.716	3.664	3.692	3.719	3.685
K	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
Ca	0.019	0.020	0.019	0.014	0.014	0.013
Ti	0.012	0.011	0.012	0.017	0.018	0.018
V	0.001	0.001	0.001	0.002	0.002	0.002
Cr	0.001	0.001	0.001	0.001	0.001	0.001
Mn	0.002	0.002	0.002	0.004	0.004	0.004
Fe^{2+}	0.133	0.137	0.134	0.295	0.297	0.302
Detection Limit (ppmw)	B	Na	Mg	Al	Si	K
	0.313	0.519	0.388	0.76	69.46	0.292

Prismatine								
sample 3			sample 4			sample 5		
30673 SP1	**30673 SP2**	**30673 SP3**	**34852 SP1**	**34852 SP2**	**34852 SP3**	**34064 SP1**	**34064 SP2**	**34064 SP3**
2.84	2.87	2.84	3.51	3.49	3.48	3.71	3.72	3.68
0.06	0.06	0.06	0.04	0.04	0.04	0.14	0.15	0.18
19.57	19.45	19.36	20.71	20.63	20.58	18.92	19.17	18.78
40.99	41.32	41.31	40.14	40.12	40.23	39.56	38.68	39.62
31.94	31.73	31.88	32.07	32.21	32.14	31.45	31.86	31.49
0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
0.07	0.07	0.07	0.09	0.10	0.10	0.07	0.07	0.07
0.14	0.13	0.13	0.07	0.07	0.07	0.02	0.02	0.02
0.01	0.01	0.01	0.02	0.02	0.02	0.00	0.00	0.00
0.04	0.04	0.04	0.01	0.01	0.01	0.00	0.00	0.00
0.05	0.05	0.05	0.02	0.02	0.02	0.03	0.03	0.03
2.93	2.91	2.89	1.95	1.93	1.94	4.66	4.68	4.71
0.13	0.13	0.13	0.14	0.13	0.14	0.21	0.40	0.20
1.23	1.23	1.23	1.24	1.24	1.24	1.22	1.22	1.22
100.00	100.00	100.00	100.00	100.00	100.00	100.00	100.00	100.00

0.599	0.606	0.598	0.734	0.730	0.728	0.785	0.788	0.780
0.013	0.014	0.013	0.010	0.011	0.011	0.034	0.035	0.043
3.565	3.540	3.524	3.746	3.729	3.721	3.461	3.504	3.435
5.901	5.947	5.944	5.739	5.734	5.751	5.721	5.590	5.731
3.902	3.875	3.892	3.890	3.906	3.898	3.858	3.906	3.865
0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
0.010	0.010	0.009	0.012	0.013	0.013	0.009	0.009	0.009
0.013	0.012	0.012	0.006	0.006	0.007	0.002	0.002	0.002
0.001	0.001	0.001	0.001	0.001	0.001	0.000	0.000	0.000
0.004	0.004	0.004	0.001	0.001	0.001	0.000	0.000	0.000
0.005	0.005	0.005	0.002	0.002	0.002	0.003	0.003	0.003
0.299	0.297	0.296	0.198	0.196	0.197	0.478	0.480	0.483
Ca	Ti	V	Cr	Mn	Fe			
6.734	0.151	0.066	0.187	0.034	0.996			

sample 6			sample 7			sample 8		
23039 SP1	**23039 SP2**	**23039 SP3**	**34851 SP1**	**34851 SP2**	**34851 SP3**	**34068 SP1**	**34068 SP2**	**34068 SP3**
3.47	3.43	3.38	3.12	3.13	3.12	3.39	3.41	3.35
0.07	0.07	0.07	0.06	0.06	0.06	0.04	0.04	0.04
18.40	18.37	18.29	19.63	19.73	19.73	20.30	20.15	20.04
39.78	39.90	39.91	41.57	41.60	41.60	40.87	40.68	41.31
31.15	31.09	31.25	31.47	31.34	31.34	31.70	32.01	31.57
0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
0.09	0.08	0.08	0.08	0.08	0.09	0.10	0.09	0.09
0.04	0.04	0.04	0.10	0.10	0.10	0.07	0.07	0.07
0.03	0.03	0.03	0.02	0.02	0.02	0.01	0.01	0.01
0.04	0.04	0.04	0.00	0.00	0.00	0.01	0.01	0.01
0.05	0.05	0.05	0.04	0.04	0.04	0.03	0.03	0.03
5.46	5.47	5.43	2.49	2.48	2.48	2.10	2.13	2.10
0.22	0.21	0.22	0.18	0.18	0.18	0.15	0.15	0.15
1.22	1.22	1.22	1.23	1.23	1.23	1.23	1.24	1.23
100.00	100.00	100.00	100.00	100.00	100.00	100.00	100.00	100.00
0.739	0.731	0.720	0.656	0.658	0.656	0.710	0.714	0.702
0.016	0.017	0.016	0.013	0.014	0.014	0.010	0.010	0.010
3.383	3.378	3.362	3.564	3.582	3.582	3.675	3.645	3.629
5.781	5.801	5.800	5.966	5.972	5.972	5.850	5.818	5.912
3.841	3.835	3.854	3.832	3.818	3.818	3.849	3.885	3.834
0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
0.012	0.011	0.011	0.011	0.010	0.011	0.013	0.012	0.012
0.003	0.003	0.003	0.009	0.009	0.009	0.006	0.006	0.006
0.003	0.003	0.003	0.002	0.002	0.002	0.001	0.001	0.001
0.004	0.004	0.004	0.000	0.000	0.000	0.001	0.001	0.001
0.005	0.005	0.005	0.004	0.005	0.004	0.003	0.003	0.003
0.563	0.565	0.560	0.254	0.253	0.253	0.214	0.216	0.213

sample 9			sample 10			sample 11		
34850 SP1	**34850 SP2**	**34850 SP3**	**34069 SP1**	**34069 SP2**	**34069 SP3**	**37577 SP1**	**37577 SP2**	**37577 SP3**
3.48	3.60	3.64	3.53	3.36	3.40	3.08	3.10	3.06
0.07	0.07	0.07	0.06	0.05	0.06	0.05	0.05	0.05
20.01	19.96	19.99	20.55	20.34	20.71	19.30	19.39	19.37
40.49	39.40	39.26	39.63	40.70	39.61	40.98	40.77	41.15
31.25	32.28	32.34	32.64	32.03	32.62	31.78	31.92	31.60
0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
0.11	0.12	0.13	0.09	0.10	0.11	0.09	0.08	0.09
0.06	0.06	0.06	0.04	0.04	0.04	0.05	0.05	0.05
0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01
0.01	0.01	0.01	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
0.05	0.05	0.05	0.03	0.03	0.03	0.09	0.09	0.09
3.05	3.04	3.05	2.03	1.99	2.03	3.21	3.16	3.17
0.17	0.17	0.17	0.15	0.11	0.15	0.15	0.15	0.15
1.23	1.23	1.23	1.24	1.24	1.24	1.23	1.23	1.23
100.00	100.00	100.00	100.00	100.00	100.00	100.00	100.00	100.00
0.734	0.757	0.765	0.739	0.704	0.711	0.649	0.654	0.645
0.016	0.017	0.016	0.013	0.013	0.013	0.012	0.012	0.012
3.642	3.625	3.630	3.713	3.679	3.747	3.515	3.529	3.527
5.825	5.656	5.635	5.662	5.821	5.664	5.900	5.867	5.926
3.814	3.932	3.938	3.957	3.887	3.958	3.882	3.898	3.861
0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
0.015	0.016	0.016	0.012	0.013	0.014	0.011	0.011	0.011
0.005	0.005	0.005	0.004	0.004	0.004	0.004	0.004	0.004
0.001	0.001	0.001	0.001	0.001	0.001	0.001	0.001	0.001
0.001	0.001	0.001	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
0.005	0.005	0.005	0.003	0.003	0.003	0.009	0.009	0.009
0.312	0.310	0.310	0.206	0.202	0.206	0.328	0.323	0.324

sample 12			sample 13			sample 14		
34066 SP1	**34066 SP2**	**34066 SP3**	**34854 SP1**	**34854 SP2**	**34854 SP3**	**34849 SP1**	**34849 SP2**	**34849 SP3**
2.99	2.97	2.93	3.39	3.42	3.40	3.50	3.46	3.47
0.05	0.05	0.05	0.05	0.06	0.06	0.09	0.09	0.09
18.19	18.34	18.23	19.76	19.88	19.84	16.01	16.07	16.12
42.24	42.18	42.90	41.23	41.13	41.00	40.92	41.34	41.47
31.67	31.63	31.14	31.67	31.59	31.79	31.12	30.71	30.52
0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
0.09	0.08	0.09	0.09	0.09	0.09	0.06	0.06	0.06
0.21	0.21	0.21	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01
0.04	0.04	0.04	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
0.05	0.05	0.05	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
0.38	0.37	0.37	0.04	0.04	0.04	0.07	0.07	0.07
2.33	2.32	2.25	2.35	2.37	2.36	6.44	6.42	6.41
0.53	0.53	0.51	0.18	0.18	0.18	0.57	0.56	0.57
1.23	1.23	1.23	1.23	1.23	1.23	1.21	1.21	1.21
100.00	100.00	100.00	100.00	100.00	100.00	100.00	100.00	100.00
0.628	0.623	0.616	0.711	0.717	0.713	0.746	0.737	0.739
0.012	0.012	0.012	0.013	0.013	0.013	0.021	0.021	0.021
3.299	3.327	3.308	3.578	3.602	3.592	2.946	2.959	2.969
6.058	6.051	6.156	5.904	5.891	5.871	5.950	6.017	6.037
3.854	3.850	3.792	3.847	3.839	3.863	3.840	3.792	3.770
0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
0.011	0.011	0.011	0.011	0.012	0.012	0.008	0.008	0.008
0.019	0.019	0.019	0.001	0.001	0.001	0.000	0.000	0.000
0.004	0.004	0.004	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
0.005	0.005	0.005	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
0.039	0.039	0.038	0.004	0.004	0.004	0.007	0.007	0.007
0.237	0.236	0.230	0.238	0.241	0.239	0.664	0.663	0.662

sample 15			sample 16			sample 17		
34415 SP1	**34415 SP2**	**34415 SP3**	**34848 SP1**	**34848 SP2**	**34848 SP3**	**34063 SP1**	**34063 SP2**	**34063 SP3**
3.34	3.36	3.33	3.54	3.55	3.54	3.45	3.46	3.45
0.03	0.03	0.03	0.09	0.09	0.09	0.14	0.14	0.14
20.64	20.63	20.60	17.89	17.92	18.06	19.52	19.53	19.52
40.80	40.52	40.92	40.97	40.84	40.56	40.93	40.96	40.93
31.95	32.21	31.89	30.87	30.91	31.15	31.28	31.31	31.28
0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
0.07	0.07	0.07	0.12	0.11	0.11	0.07	0.07	0.07
0.02	0.03	0.03	0.02	0.02	0.02	0.08	0.08	0.08
0.00	0.00	0.00	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01
0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.00	0.00	0.00
0.04	0.04	0.04	0.10	0.10	0.10	0.05	0.05	0.05
1.66	1.67	1.65	4.96	5.02	4.92	3.00	2.94	2.99
0.21	0.20	0.21	0.20	0.20	0.20	0.24	0.24	0.25
1.24	1.24	1.24	1.22	1.22	1.22	1.23	1.23	1.23
100.00	100.00	100.00	100.00	100.00	100.00	100.00	100.00	100.00
0.698	0.702	0.696	0.751	0.753	0.751	0.727	0.727	0.727
0.007	0.007	0.007	0.021	0.021	0.021	0.032	0.032	0.032
3.729	3.725	3.721	3.280	3.285	3.309	3.547	3.549	3.548
5.828	5.785	5.845	5.937	5.919	5.876	5.882	5.884	5.882
3.872	3.902	3.864	3.795	3.802	3.829	3.814	3.816	3.814
0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
0.009	0.009	0.009	0.015	0.015	0.015	0.009	0.009	0.010
0.002	0.002	0.002	0.002	0.002	0.002	0.007	0.007	0.007
0.000	0.000	0.000	0.001	0.001	0.001	0.001	0.001	0.001
0.001	0.000	0.000	0.001	0.001	0.001	0.000	0.000	0.000
0.004	0.004	0.004	0.010	0.011	0.011	0.005	0.005	0.005
0.168	0.169	0.167	0.510	0.516	0.506	0.306	0.299	0.305

sample 18			sample 19			sample 20		
34656 SP1	**34656 SP2**	**34656 SP3**	**15860 SP1**	**15860 SP2**	**15860 SP3**	**35438 SP1**	**35438 SP2**	**35438 SP3**
2.81	2.79	2.78	3.19	3.18	3.17	2.84	2.85	2.85
0.02	0.02	0.02	0.05	0.05	0.04	0.06	0.06	0.06
19.42	19.18	19.19	16.32	16.40	16.24	20.06	20.19	20.05
41.93	42.15	42.16	41.51	41.30	41.33	43.13	43.04	43.11
30.86	31.02	31.03	30.41	30.68	30.84	31.60	31.53	31.58
0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
0.09	0.09	0.08	0.09	0.08	0.08	0.08	0.08	0.08
0.22	0.22	0.22	0.27	0.26	0.22	0.14	0.14	0.14
0.70	0.69	0.70	0.05	0.05	0.05	0.05	0.05	0.05
0.12	0.11	0.12	0.09	0.09	0.09	0.18	0.19	0.19
0.27	0.27	0.27	0.23	0.23	0.23	0.08	0.08	0.08
2.15	2.05	2.02	6.21	6.11	6.14	0.20	0.20	0.20
0.19	0.19	0.19	0.36	0.36	0.36	0.35	0.35	0.36
1.23	1.23	1.23	1.21	1.21	1.21	1.24	1.24	1.24
100.00	100.00	100.00	100.00	100.00	100.00	100.00	100.00	100.00
0.593	0.587	0.585	0.682	0.679	0.677	0.590	0.593	0.594
0.005	0.005	0.005	0.011	0.011	0.011	0.013	0.013	0.013
3.540	3.492	3.493	3.014	3.026	2.997	3.608	3.633	3.606
6.041	6.067	6.068	6.061	6.026	6.027	6.132	6.121	6.129
3.772	3.788	3.789	3.767	3.798	3.816	3.812	3.805	3.810
0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
0.012	0.012	0.011	0.012	0.011	0.010	0.010	0.011	0.010
0.020	0.020	0.020	0.025	0.024	0.020	0.013	0.012	0.013
0.068	0.067	0.068	0.005	0.005	0.005	0.005	0.005	0.005
0.011	0.011	0.011	0.009	0.009	0.008	0.017	0.018	0.018
0.028	0.027	0.028	0.024	0.024	0.024	0.008	0.008	0.008
0.220	0.209	0.206	0.644	0.633	0.636	0.020	0.020	0.020

						Undetermined species		
sample 21			sample 22			sample 23		
16687 SP1	**16687 SP2**	**16687 SP3**	**36916 SP1**	**36916 SP2**	**36916 SP3**	**35016 SP1**	**35016 SP2**	**35016 SP3**
3.13	3.13	3.12	2.90	2.89	2.92	2.54	2.54	2.58
0.04	0.04	0.04	0.04	0.04	0.04	0.08	0.08	0.08
20.50	20.46	20.63	18.81	18.90	18.78	20.49	20.44	20.57
41.56	41.68	41.48	41.52	41.32	41.03	43.13	42.76	42.68
31.46	31.40	31.40	30.70	30.84	31.21	31.45	31.92	31.85
0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
0.10	0.10	0.10	0.09	0.09	0.09	0.07	0.07	0.06
0.05	0.05	0.05	0.01	0.01	0.01	0.14	0.14	0.14
0.01	0.01	0.01	0.00	0.00	0.00	0.05	0.05	0.05
0.01	0.01	0.01	0.00	0.00	0.00	0.22	0.22	0.23
0.02	0.02	0.02	0.06	0.06	0.06	0.27	0.23	0.21
1.77	1.74	1.76	4.58	4.56	4.56	0.13	0.13	0.12
0.13	0.13	0.13	0.08	0.08	0.08	0.18	0.18	0.18
1.23	1.23	1.23	1.22	1.22	1.22	1.24	1.24	1.24
100.00	100.00	100.00	100.00	100.00	100.00	100.00	100.00	100.00

0.656	0.656	0.655	0.616	0.614	0.620	0.531	0.529	0.539
0.010	0.010	0.010	0.008	0.008	0.009	0.018	0.018	0.018
3.711	3.703	3.736	3.455	3.470	3.446	3.697	3.685	3.709
5.948	5.965	5.940	6.028	5.999	5.952	6.152	6.095	6.082
3.821	3.813	3.815	3.782	3.799	3.841	3.806	3.860	3.851
0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
0.013	0.013	0.013	0.011	0.011	0.012	0.009	0.009	0.008
0.004	0.004	0.004	0.001	0.001	0.001	0.013	0.013	0.013
0.001	0.001	0.001	0.000	0.000	0.000	0.005	0.005	0.005
0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.021	0.021	0.022
0.002	0.002	0.002	0.006	0.006	0.007	0.027	0.023	0.021
0.179	0.176	0.179	0.471	0.469	0.469	0.013	0.013	0.013

sample 24			sample 25			sample 26		
34368 SP1	**34368 SP2**	**34368 SP3**	**37597 SP1**	**37597 SP2**	**37597 SP3**	**12382 SP1**	**12382 SP2**	**12382 SP3**
2.58	2.59	2.58	2.43	2.45	2.38	2.39	2.46	2.45
0.03	0.03	0.03	0.06	0.07	0.07	0.04	0.05	0.05
19.92	20.17	20.15	19.83	19.93	19.80	19.68	19.97	19.90
43.60	43.01	43.55	42.64	42.67	42.78	43.45	42.89	43.15
31.64	31.22	31.47	31.24	31.11	31.19	31.83	32.01	31.90
0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
0.11	0.11	0.11	0.06	0.07	0.07	0.10	0.10	0.11
0.17	0.17	0.17	0.05	0.05	0.05	0.16	0.18	0.17
0.24	0.24	0.24	0.01	0.01	0.01	0.13	0.14	0.14
0.01	0.01	0.01	0.00	0.00	0.00	0.02	0.02	0.02
0.16	0.16	0.15	0.04	0.04	0.04	0.57	0.57	0.51
0.03	0.04	0.03	2.18	2.17	2.18	0.07	0.07	0.07
0.27	1.00	0.27	0.20	0.20	0.20	0.30	0.30	0.31
1.24	1.24	1.24	1.23	1.23	1.23	1.24	1.24	1.24
100.00	100.00	100.00	100.00	100.00	100.00	100.00	100.00	100.00
0.539	0.539	0.538	0.513	0.516	0.502	0.499	0.514	0.511
0.008	0.008	0.008	0.015	0.016	0.016	0.010	0.011	0.011
3.584	3.626	3.628	3.607	3.625	3.603	3.551	3.602	3.589
6.202	6.113	6.199	6.132	6.137	6.152	6.197	6.116	6.151
3.820	3.765	3.800	3.811	3.797	3.807	3.852	3.873	3.859
0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
0.014	0.014	0.014	0.008	0.009	0.009	0.013	0.013	0.014
0.016	0.015	0.015	0.005	0.005	0.005	0.015	0.016	0.015
0.023	0.023	0.023	0.001	0.001	0.001	0.013	0.013	0.013
0.001	0.001	0.001	0.000	0.000	0.000	0.001	0.002	0.002
0.016	0.016	0.015	0.004	0.004	0.004	0.059	0.058	0.052
0.003	0.004	0.003	0.223	0.222	0.222	0.007	0.008	0.007

sample 27			sample 28			sample 29		
34366 SP1	**34366 SP2**	**34366 SP3**	**34367 SP1**	**34367 SP2**	**34367 SP3**	**34067 SP1**	**34067 SP2**	**34067 SP3**
2.59	2.59	2.54	2.37	2.42	2.42	2.55	2.60	2.72
0.03	0.04	0.03	0.03	0.04	0.03	0.05	0.05	0.05
20.20	20.23	20.29	20.06	19.93	19.99	19.57	19.83	19.67
43.68	43.32	43.24	43.93	43.25	43.78	43.62	43.06	42.87
31.28	31.59	31.68	31.32	31.39	31.49	30.82	30.97	31.26
0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
0.10	0.10	0.10	0.10	0.11	0.10	0.10	0.11	0.10
0.17	0.17	0.17	0.18	0.16	0.17	0.18	0.19	0.18
0.25	0.25	0.25	0.26	0.25	0.26	0.01	0.01	0.01
0.01	0.01	0.01	0.02	0.01	0.02	0.00	0.00	0.00
0.15	0.16	0.15	0.17	0.15	0.17	0.01	0.01	0.01
0.04	0.03	0.03	0.04	0.02	0.03	1.58	1.66	1.62
0.26	0.26	0.25	0.30	1.04	0.30	0.28	0.28	0.27
1.24	1.24	1.24	1.24	1.24	1.24	1.23	1.23	1.23
100.00	100.00	100.00	100.00	100.00	100.00	100.00	100.00	100.00

0.541	0.541	0.529	0.494	0.503	0.504	0.535	0.546	0.571
0.008	0.008	0.008	0.008	0.008	0.007	0.012	0.012	0.012
3.639	3.643	3.654	3.615	3.583	3.602	3.547	3.596	3.562
6.220	6.167	6.157	6.260	6.147	6.235	6.250	6.172	6.136
3.779	3.816	3.827	3.787	3.786	3.806	3.747	3.767	3.796
0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
0.013	0.013	0.013	0.013	0.014	0.013	0.013	0.014	0.013
0.015	0.015	0.015	0.016	0.015	0.016	0.016	0.017	0.017
0.024	0.024	0.024	0.025	0.024	0.025	0.001	0.001	0.001
0.001	0.001	0.001	0.001	0.001	0.002	0.000	0.000	0.000
0.016	0.016	0.016	0.017	0.015	0.017	0.001	0.001	0.001
0.004	0.003	0.004	0.004	0.002	0.003	0.161	0.169	0.165

sample 30		
34365 SP1	**34365 SP2**	**34365 SP3**
2.64	2.65	2.69
0.03	0.03	0.03
20.28	20.32	20.44
43.68	43.56	43.22
31.14	31.19	31.37
0.00	0.00	0.00
0.10	0.11	0.10
0.18	0.18	0.17
0.23	0.24	0.23
0.01	0.01	0.01
0.14	0.14	0.15
0.04	0.04	0.04
0.28	0.28	0.29
1.24	1.24	1.24
100.00	100.00	100.00
0.551	0.552	0.560
0.008	0.008	0.008
3.654	3.660	3.680
6.220	6.203	6.153
3.762	3.769	3.790
0.000	0.000	0.000
0.013	0.014	0.014
0.016	0.016	0.016
0.023	0.023	0.023
0.001	0.001	0.001
0.015	0.015	0.015
0.004	0.004	0.004